

LABOKLIN S.L., Avenida de la Industria 4, 28108 Alcobendas

Anicura
Unipessoal LDA Algarve HV-SOC
Av. Calouste Gulbenkian 66
8000- 072 Faro
Portugal

Resultado Nr.:	2409-M-20435
Fecha de entrada:	13.09.2024
Fecha de informe:	24.09.2024
Inicio de análisis:	13.09.2024
Fin de análisis:	24.09.2024
Estatus del informe:	Informe final

Especie:	Perro
Raza:	Rhodesian ridgeback
Sexo:	desconocido
Nombre:	Mufasa
Microchip:	620098201144513
Edad / Fecha de nacimiento:	03.03.2021
Material:	Sangre (x2)
Propietario:	Desconocido
Código paciente:	Mufasa

Mielopatía degenerativa - PCR

Resultado: Genotipo N/N (exón 2)

Interpretación: el animal examinado es homocigoto para el alelo salvaje. No presenta la mutación en el exón 2 del gen SOD1 considerada como factor de alto riesgo de DM.

Heredabilidad: autosómica-recesiva.

Nota: en el bojero de Berna está descrita otra mutación en el exón 1 del gen SOD1 relacionada también con DM.

Hemofilia B (Factor IX) - PCR

Resultado: Genotipo hembra X(N)/X(N), macho X(N)/Y

Interpretación: el animal examinado es homocigoto para el alelo salvaje. No presenta la mutación en el gen FIX responsable de hemofilia B.

Heredabilidad: ligada a cromosoma X-recesiva

Estudios científicos han encontrado relación entre esta mutación y los síntomas de la enfermedad en las razas: Rhodesian ridgeback.

Juvenile Myoklonische Epilepsie (JME) - PCR

Resultado: genotipo N/N

Interpretación: el animal examinado es homocigoto para el alelo salvaje. No porta la mutación en el gen DIRAS1 responsable de JME.

Heredabilidad: autosómica recesiva

Se ha descrito una correlación entre esta mutación y los síntomas de la enfermedad en las siguientes razas: Rhodesian ridgeback

D-Locus (Dilución, Aclarados del color) - PCR

Resultado para d1: Genotipo N/N (anteriormente D/D)

Interpretación: No se encontró ningún alelo d1 en esta muestra.

El genotipo global del complejo del locus D solo puede deducirse si se analizan todas las variantes conocidas del locus D (d1, d2 y d3). Algunos de estos alelos solo existen en razas específicas.

Nota: La nomenclatura de los resultados se ha modificado para estandarizarse junto al resto de pruebas genéticas.

B-Locus (marrón, chocolate, hígado)

Este análisis genético del B- locus incluye las tres variantes bd, bc y bs descritas hasta ahora para todas las razas, así como el alelo salvaje N.

Variant bd

Resultado para bd: Genotipo N/N (anteriormente B/B) Interpretación: No se ha encontrado el alelo bd en esta muestra.

Variant bc

Resultado para bc: Genotipo N/N (anteriormente B/B)

Interpretación: No se ha encontrado el alelo bc en esta muestra.

Variant bs

Resultado para bs: Genotipo N/bs (anteriormente B/bc)

Interpretación: En esta muestra se encontró un alelo bs. El animal es heterocigoto para la mutación responsable de esta variante.

Cuando una de las variantes es homocigota, el pigmento oscuro (eumelanina) cambia de color en consecuencia. Cuando varias variantes del locus B se encuentran en estado heterocigoto, no es posible determinar directamente la influencia sobre la eumelanina.

El genotipo global del complejo del B-locus solo puede deducirse a partir todas las variantes conocidas del B-locus (bd, bc, bs, b4 y be). Algunos de estos alelos solo existen en razas específicas.

Nota: La nomenclatura de los resultados se ha modificado para estandarizarse junto al resto de pruebas genéticas.

Sordera hereditaria (EOAD)- PCR

Resultado: Genotipo N/N

Interpretación: El animal examinado es homocigoto para el alelo salvaje. No presenta la mutación responsable de EOAD en el gen EPS8L2.

Heredabilidad: autosómica-recesiva

Estudios científicos han encontrado correlación entre la mutación y los síntomas de la enfermedad en las siguientes razas: Rhodesian Ridgeback

El resultado es válido sólo para el material recibido en el laboratorio. La responsabilidad acerca de la veracidad de los datos aportados corresponde al remitente. No se ofrecen garantías a este respecto. La garantía de compensación se limita legalmente al valor de la factura de los análisis realizados.

No se pueden excluir otras alteraciones genéticas que puedan influir en la expresión de la enfermedad o los criterios. Los análisis se realizan de acuerdo con los conocimientos científicos en ese momento.

El laboratorio está acreditado para realizar los análisis que corresponden a este resultado según la norma DIN EN ISO/IEC 17025:2018 (Excepto test realizados en laboratorios colaboradores).

Estos resultados se basan en el material de muestra enviado a nuestro laboratorio. Este material es adecuado salvo que se indique lo contrario. El remitente es responsable de la exactitud de la información relativa a la muestra. Este informe solo puede transmitirse íntegramente y sin cambios. Hacer lo contrario requiere el permiso por escrito de Laboratorio Veterinario Laboklin S.L.

Roberto Rey Conejo
Veterinario

*** FIN del informe ***



Laboklin App